

КОНФЕРЕНЦИЯ ПО ИСПОЛЬЗОВАНИЮ РАССЕЯНИЯ НЕЙТРОНОВ В ИССЛЕДОВАНИИ КОНДЕНСИРОВАННЫХ СРЕД (РНИКС-2025)

• → • → • Томск, 29 сентября – 3 октября 2025 г.

ИССЛЕДОВАНИЕ СТРУКТУРНОЙ ОРГАНИЗАЦИИ ХРОМАТИНА В ЯДРАХ ОПУХОЛЕВЫХ КЛЕТОК МЕТОДОМ МАЛОУГЛОВОГО РАССЕЯНИЯ НЕЙТРОНОВ И РЕНТГЕНОВСКОГО ИЗЛУЧЕНИЯ

 $E. \Gamma. Яшина^{1,2}*, E. Ю. Варфоломеева^2, Р. А. Пантина^2, Р. А. Ковалев^2, Н. Д. Федорова^2, Ю. Е. Горшкова^3, С. В. Григорьев^2$

 1 Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург, Россия 2 Петербургский институт ядерной физики им. Б.П. Константинова НИЦ «Курчатовский институт», Санкт-Петербург, Россия

³Объединенный институт ядерных исследований, Дубна, Россия

*E-mail: yashina_91@inbox.ru

Одним из наиболее информативных и востребованных методов определения структуры неупорядоченных биологических объектов является метод малоуглового рассеяния нейтронов (МУРН) и рентгеновского излучения (МУРР). Исследования крупномасштабной организации хроматина с помощью ультра малоугловых техник нейтронного рассеяния, таких как Спин-Эхо МУРН и Ультра МУРН, демонстрируют наличие структуры логарифмического фрактала в ядрах нормальных и опухолевых клеток [1–6]. В классическом малоугловом рассеянии структура логарифмического фрактала наблюдается как кубический закон рассеяния зависимости от модуля переданного импульса ($I\sim Q^{-3}$) [1–4], а в Спин-Эхо малоугловом рассеянии структура логарифмического фрактала наблюдается как экспоненциальная Спин-Эхо корреляционная функция ($G=\exp(-z/\xi)$) [4–6]. В ядрах нормальных клеток, таких как лимфоциты крысы структура логарифмического фрактала наблюдается в диапазоне масштабов от 3,7 μ m до 60–30 nm [1,6], в то время, как в ядах опухолевых клеток, таких как HeLa – от 5,1 μ m до 200 nm [2,5].

Стоит отметить, что структура логарифмического фрактала является универсальной для большинства типов ядер и образуется из системы полостей, которые формируют систему транспортных каналов, необходимую для метаболизма и инфраструктуры внутри ядра, а также формирует собой пространство потенциально необходимое для осуществления биологических функций ДНК.

Эксперименты по МУРН и МУРР на ядрах опухолевых клеток HeLa демонстрируют наличие объемно-фрактальной структуры в диапазоне масштабов от 200 nm до 30 nm и фрактальной размерностью DF близкой к 2,5 [3]. В то время как эксперименты по МУРР на ядрах опухолевых клеток HeLa с подавленной транскрипционной активностью двумя разными способами (культивирование в условиях дефицита питательной среды и культивирование с добавлением ингибитора транскрипции актиномицина Д), демонстрируют отсутствие объемно-фрактальной структуры, при этом наблюдается наличие 20-30 нанометровых петель нуклеосомной фибриллы. Результаты этих экспериментов иллюстрируют связь наличия объемно-фрактальных структур в ядре с высокой транскрипционной активностью хроматина, характерной для опухолевых клеток. Также эта гипотеза подтверждается исследованиями структуры хроматина в ядрах нормальных клетках и их раковых аналогов с помощью метода МУРР. Эксперименты проводилось на установке малоуглового рассеяния рентгеновского излучения Хепох 3.0 (ОИЯИ, Дубна, Россия) на ядрах лимфоцитов крысы (низкая транскрипция) и ядрах раковых клеток лимфоцитов NC-37 (высокая транскрипционная активность), а также на ядрах нейтрофилов свиньи (низкая транскрипция) и ядрах раковых лейкоцитов клеточной линии



КОНФЕРЕНЦИЯ ПО ИСПОЛЬЗОВАНИЮ РАССЕЯНИЯ НЕЙТРОНОВ В ИССЛЕДОВАНИИ КОНДЕНСИРОВАННЫХ СРЕД (РНИКС-2025)

• → • → • Томск, 29 сентября – 3 октября 2025 г.

К562 (высокая транскрипционная активность) и в обоих случаях продемонстрировали наличие объемно-фрактальной структуры размером порядка 100 nm и с фрактальной размерностью D близкой к 2.6 в ядрах опухолевых клеток, и ее отсутствие в ядрах нормальных клеток.

Таким образом, высокая транскрипционная активность хроматина, характерная для опухолевых клеток связана с наличием объемно-фрактальной структуры в ядре, а метод малоуглового рассеяния нейтронов и рентгеновского излучения является хорошим инструментом для исследования структурных особенностей хроматина в опухолевых клетках, а также различных изменений в хроматине под воздействием веществ, влияющих на активность генов на эпигенетическом уровне.

Работа выполнена при поддержке Российского научного фонда (грант № 25-72-00128).

- 1. E. G. Iashina, E. Yu. Varfolomeeva, R. A. Pantina, et al., Physical Review E 104(6), 064409 (2021).
- 2. S. V. Grigoriev, E. G. Iashina, B. Wu, et al., Physical Review E 104(4), 044404 (2021).
- 3. Е. Г. Яшина, Е. Ю. Варфоломеева, Р. А. Пантина, и др., Письма в ЖЭТФ **118**(10), 776-781 (2023).
- 4. E. G. Iashina, E. V. Velichko, M. V. Filatov, et al., Physical Review E 96(1), 012411 (2017).
- 5. E. G. Iashina, M. V. Filatov, R. A. Pantina, et al., Journal of Applied Crystallography 52(4), 844-853 (2019).
- 6. E. G. Iashina, W. G. Bouwman, C. P. Duif, et al., Journal of Applied Crystallography 56(5), 1512–1521 (2023).